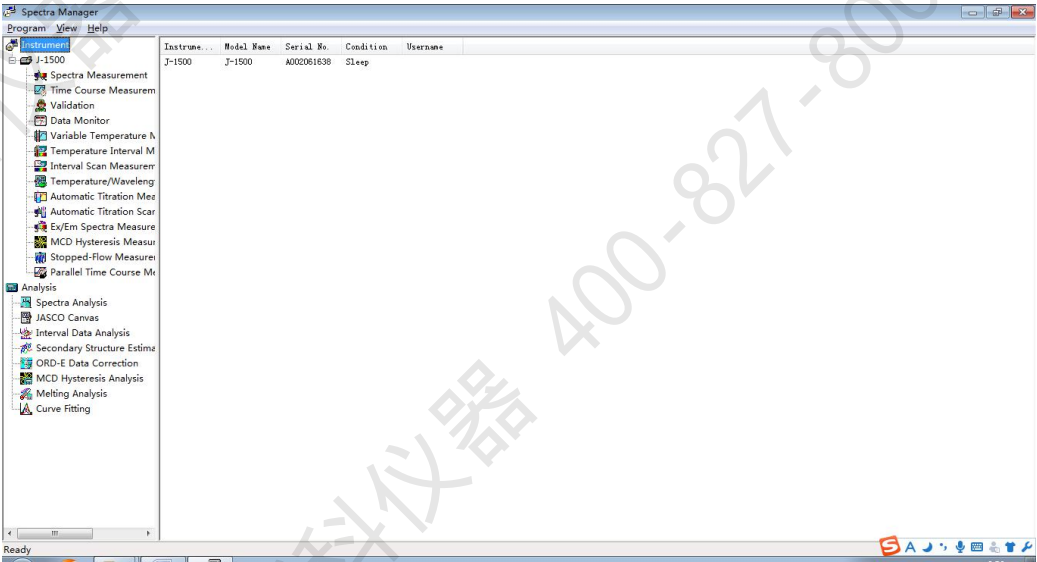


蛋白质二级结构分析软件

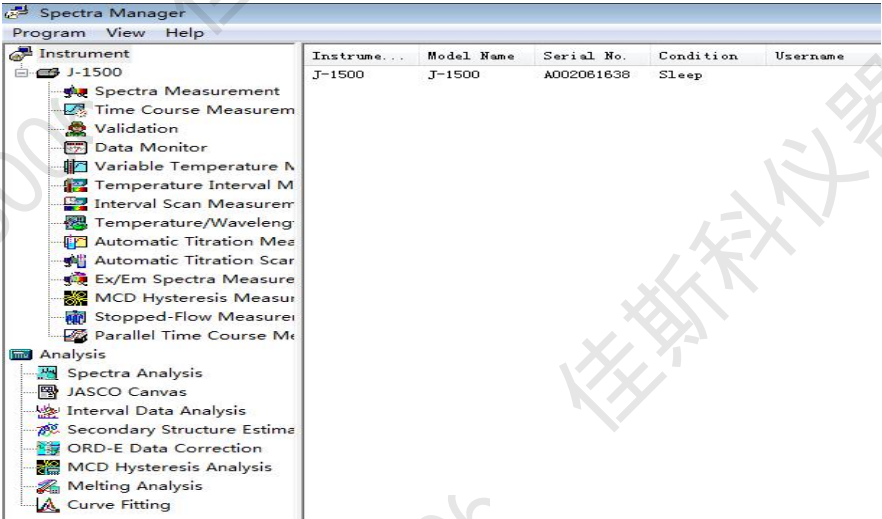
1. 双击桌面软件图标进入软件



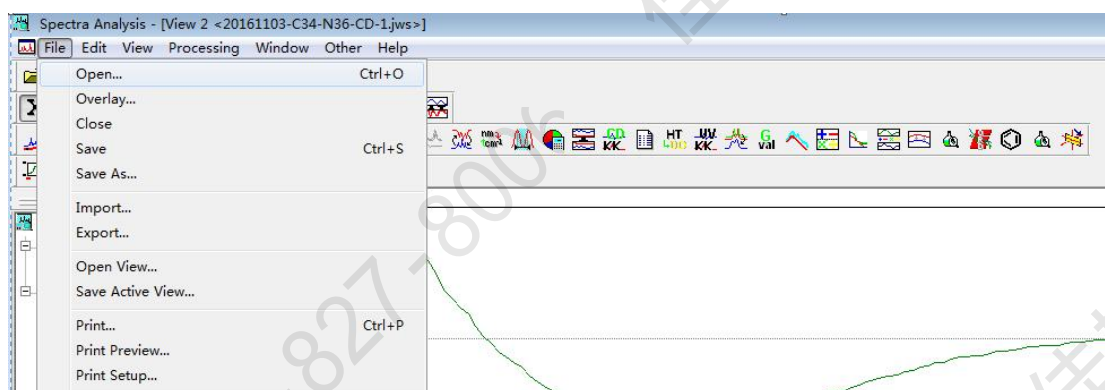
2. 软件界面如下图



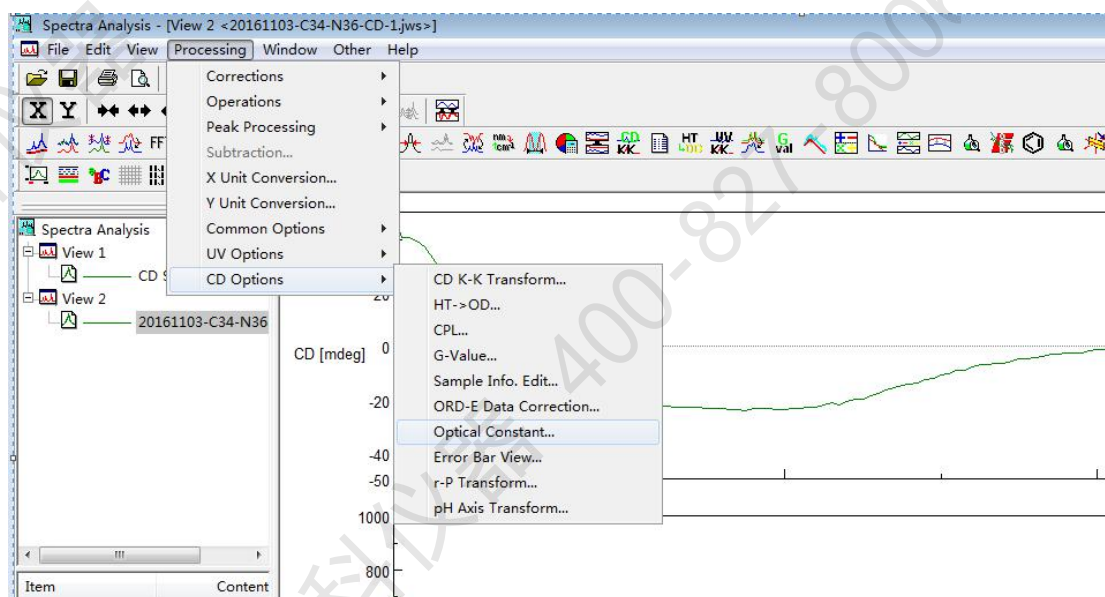
3. 双击 Spectra Analysis，进入数据分析界面



4. 在 File/Open 中打开需要分析的文件



5. 点击“processing”下拉菜单中“CD options”，选择“optical constant”

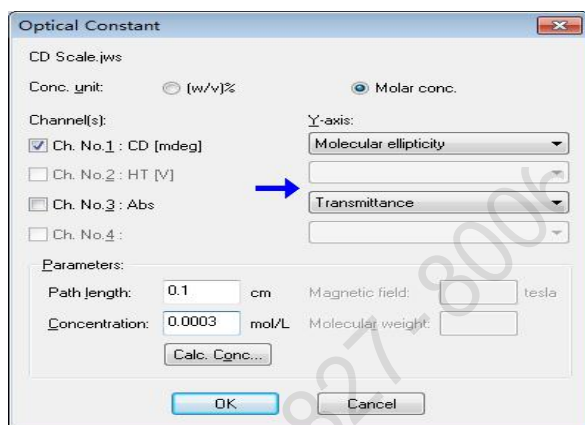


6. 在 Conc unit (浓度单位): molar conc

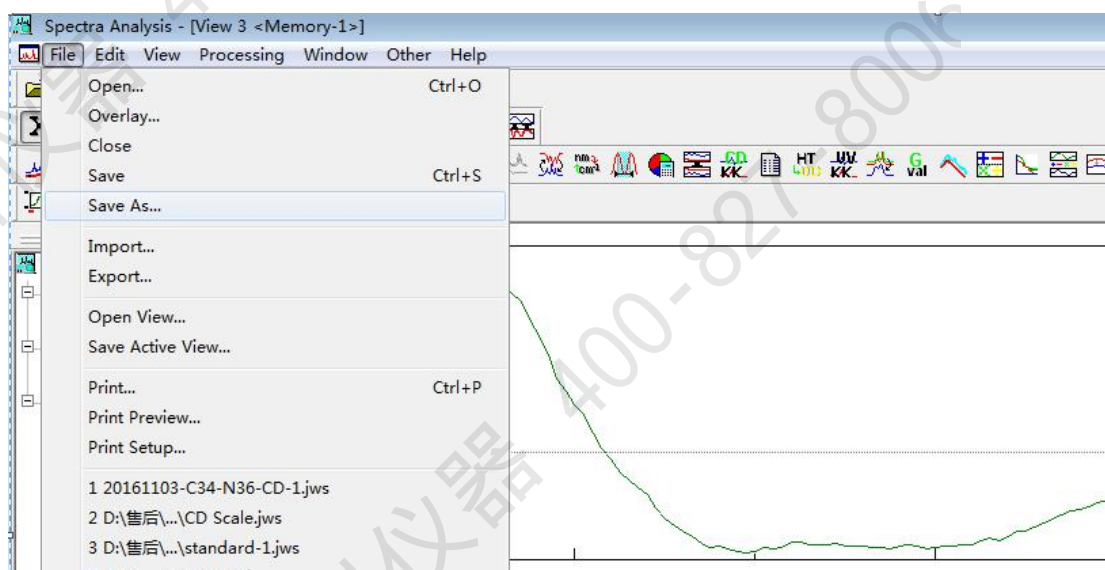
Ch.1:Molecular .Ellipticity. 项前打对勾,

Path length 中输入比色皿光程长 (单位 cm)

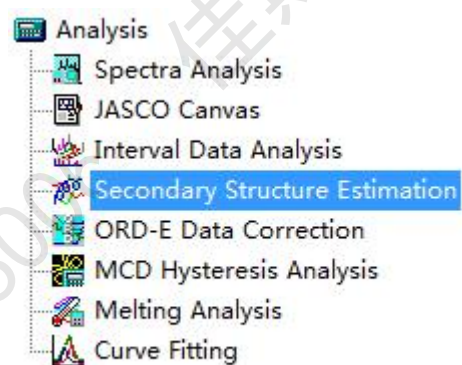
Concentration: 输入氨基酸残基浓度=“蛋白浓度 (mg/mL) /110”, 点击 ok。



7. 将处理后文件另存为



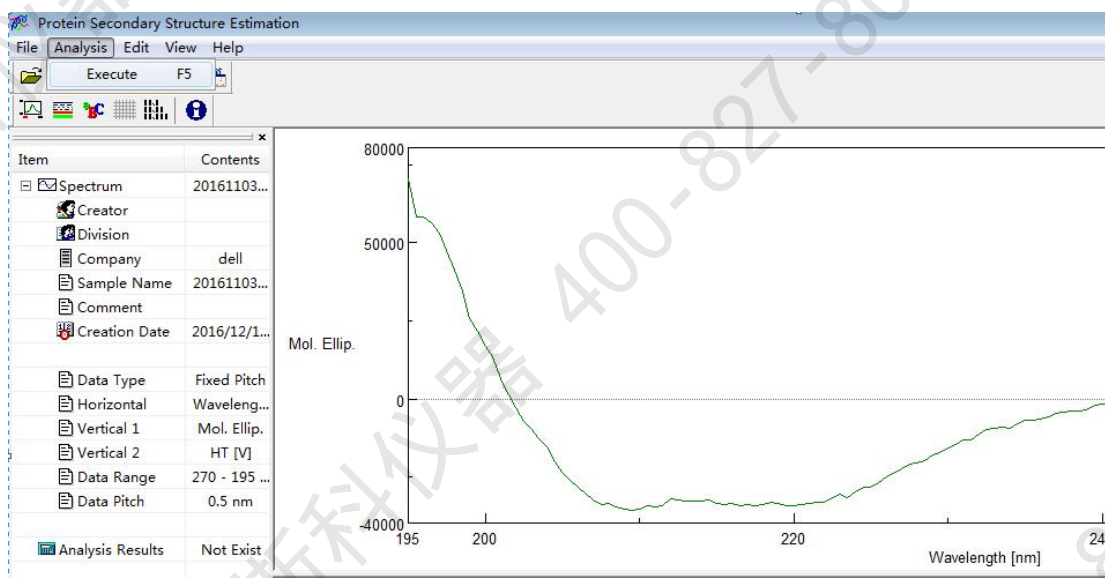
8. 双击“secondary structure estimation”进入二级结构分析软件界面



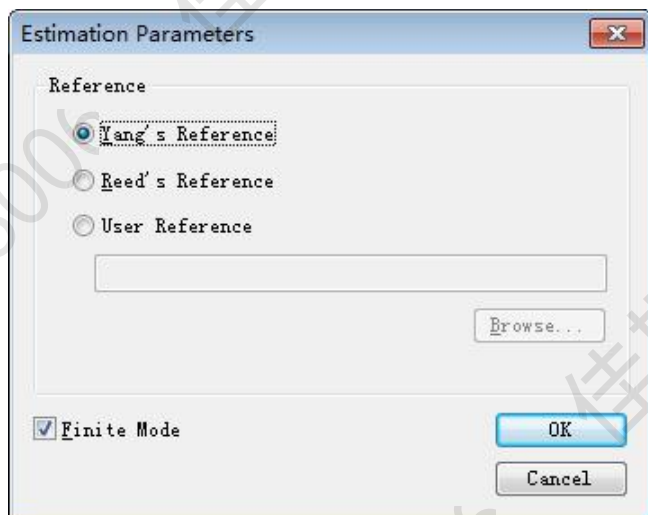
9. File/Open 中打开转换 molecular ellipticity 后的图谱(2.6 另存为的图谱), 如下图



10. 点击“Analysis”下拉菜单中“Execute F5”，如下图



11. 选择 Yang' Reference 和 Finite Mode 后，点击 OK



12. 即可得到二级结构的分析结果，对于分析结果的可信度判断标准是 RMS Value \leq 20，记录下，二级结构的分析结果。

Analysis Results	
Reference	Yang's Reference
Finite Mode	On
Helix	20.4 %
Beta	12.6 %
Turn	18.4 %
Random	48.6 %
Total	100.0 %
RMS Value	12.355